

Algorithmen für Chip-Entwurfswerkzeuge

Timing-Analysen und Heuristiken



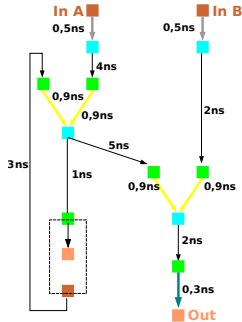
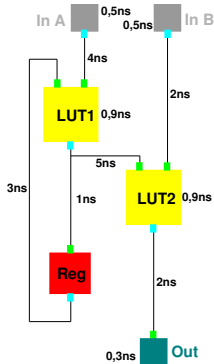
TECHNISCHE
UNIVERSITÄT
DARMSTADT

Vorlesung
WS 2013/2014

Florian Stock, Andreas Koch

Eingebette Systeme und Anwendungen
Technische Universität Darmstadt

- ▶ Wozu?
 - ▶ Analysiere fertige Layouts
 - ▶ Analysiere einzelne Verbindungen *während* Layouterzeugung
 - ▶ Erkenne kritische Verbindungen
 - ▶ Behandle diese mit Vorrang
- ▶ Worauf?
 - ▶ Schaltungselement
 - ▶ Gatter, Werttabellen (LUT), Register, I/O-Blöcke, ...
 - ▶ Bleiben konstant, exakte Verzögerungen bekannt
 - ▶ Netze
 - ▶ Nur nach Layouterzeugung bekannt
 - ▶ Vorher schätzen



- ▶ Auf 4-partitem Graph
 - ▶ Externe Eingänge
 - ▶ Externe Ausgänge
 - ▶ Eingangs-Ports
 - ▶ Ausgangs-Ports

- ▶ Ankunftszeit (arrival) an Knoten v

$$T_a(v) = \max_{(u,v) \in E} (T_a(u) + w(u, v))$$

- ▶ Idee: BFS oder DAG LP

- ▶ Beginne mit $T_a(v) = 0$ bei folgenden Knoten:
Externer Eingänge, Registerausgänge
- ▶ Bearbeite Knoten bei denen alle Vorgänger bearbeitet sind
- ▶ Späteste Gesamtankunftszeit $D_{max} = \text{Taktperiode}$
(an Externen Ausgängen, Registereingängen)

In Beispielschaltung

$$D_{max} = 13.6 \text{ ns}$$



- ▶ Wie unwichtig sind unkritische Netze?
 - ▶ Idee: Analog zu verschiebbaren Elementen bei Kompaktierung
 - ▶ Hier auf Zeitintervalle anwenden

Beantwortet die Frage

Wieviel langsamer kann ein Netz werden ohne das die gesamte Schaltung leidet?

- ▶ Berechnung
 - ▶ Mittels spätestmöglicher Ankunftszeit
 - ▶ Required Time $T_r(v)$ an Knoten v
 - ▶ Spätestmöglicher Ankunftszeitpunkt von Signalen
⇒ **Sonst Verlangsamung der gesamten Schaltung**
 - ▶ Analog Kompaktierungsbeispiel:
Rechtestmögliche Position ohne Breitenvergrößerung

Berechnung Spätestmögl. Ankunftszeit und Slack

- ▶ Beginne mit $T_r(u) = D_{max}$ bei folgenden Knoten:
Externen Ausgänge, Registereingänge
- ▶ Nun BFS/LP Rückwärts
- ▶ Rückwärts \Rightarrow Graph mit umgedrehten Kanten
- ▶ Bearbeite Knoten
 - ▶ Nur mit komplett bearbeiteten Vorgängern
 - ▶ $T_r(u) = \min_{(u,v) \in E} (T_r(v) - w(u, v))$
- ▶ *Slack (Schlupf)* einer Verbindung von u nach v
 $slack(u, v) = T_r(v) - T_u(u) - w(u, v)$
- ▶ Auf kritischem Pfad: $slack = 0$

Beispiel



Node: 4 INPAD_SOURCE Block #2 (s27_in_3_)
T_arr: 0 T_req: -3.88578e-16 Tdel: 5e-10

Node: 5 INPAD_OPIN Block #2 (s27_in_3_)
Pin: 0
T_arr: 5e-10 T_req: 5e-10 Tdel: 5e-09
Net to next node: #2 (s27_in_3_). Pins on net: 5.

Node: 12 CLB_IPIN Block #6 (s27_out)
Pin: 0
T_arr: 5.5e-09 T_req: 5.5e-09 Tdel: 0

Node: 17 SUBBLK_IPIN Block #6 (s27_out)
Pin: 0 Subblock #0
T_arr: 5.5e-09 T_req: 5.5e-09 Tdel: 9e-10

Node: 21 SUBBLK_OPIN Block #6 (s27_out)
Pin: 4 Subblock #0
T_arr: 6.4e-09 T_req: 6.4e-09 Tdel: 0

Node: 16 CLB_OPIN Block #6 (s27_out)
Pin: 4
T_arr: 6.4e-09 T_req: 6.4e-09 Tdel: 1e-09
Net to next node: #5 (s27_out). Pins on net: 2.

Node: 10 OUTPAD_IPIN Block #5 (out:s27_out)
Pin: 0
T_arr: 7.4e-09 T_req: 7.4e-09 Tdel: 3e-10

Node: 11 OUTPAD_SINK Block #5 (out:s27_out)
T_arr: 7.7e-09 T_req: 7.7e-09

Tnodes on crit. path: 8 Non-global nets on crit. path: 2.
Global nets on crit. path: 0.
Total logic delay: 1.7e-09 (s) Total net delay: 6e-09 (s)

Beispielanwendung

Unit-Size Placement Problem (UPP)

Eingabe

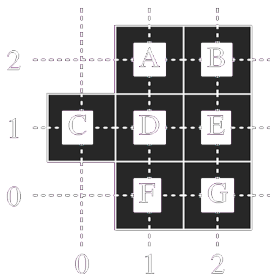
- ▶ 1×1 Zellen
- ▶ Netzliste

Platziere Zellen

- ▶ Auf 1×1 Raster
- ▶ Überlappungsfrei

Minimiere Fläche

- ▶ Platz für Verdrahtung



n_1 : A, B, F, G

n_2 : B, E

n_3 : D, E

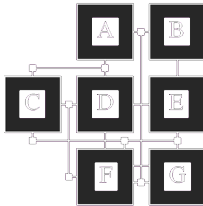
n_4 : A, C, D

n_5 : C, D, F

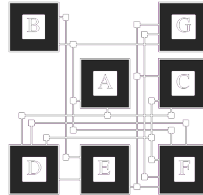
n_6 : C, E, F, G

n_7 : D, F

n_8 : F, G



Gute Platzierung mit Verdrahtung



Schlechte Platzierung
Mehr Verdrahtungsspuren

Problem: Bestimmung der Qualität

- ▶ Komplette Verdrahtung dauert zu lange
- ▶ Abschätzen



- ▶ Viele Probleme im Bereich VLSI CAD sind
 - ▶ NP-vollständig
 - ▶ NP-hart (mindestens so aufwendig wie NP-vollständig)
- ▶ Exakt lösbar nur für kleine Problemgrößen
- ▶ Falls suboptimale Lösungen akzeptabel:
 - ▶ Näherungsverfahren, Approximationen
 - ▶ Garantieren eine bestimmte Lösungsqualität
 - ▶ Nicht allgemein formulierbar
 - ▶ Heuristiken
 - ▶ Schwankende Lösungsqualität



- ▶ Problemspezifisch
- ▶ Algorithmenspezifisch
- ▶ Grundsätzlich unterscheidbar
 - ▶ Vollständige Lösung
 - ▶ Alle Unbekannten haben gültige Werte
 - ▶ Algorithmus könnte beliebig beendet werden
 - ▶ Unvollständige Lösung
 - ▶ Einige/Alle Unbekannte sind noch unbestimmt oder ungültig
 - ▶ Algorithmus muß weiterrechnen



- ▶ Probleminstanz $I = (F, c)$
 - ▶ Lösungsraum F
 - ▶ Kostenfunktion $c : F \mapsto \mathbf{R}$
- ▶ Lösung $\vec{f} \in F : \vec{f} = [f_1, \dots, f_n]^T$
 - ▶ Explizite Einschränkungen: Wertebereiche der f_i
 - ▶ Implizite Einschränkunge: Abhängigkeiten
- ▶ Teillösung \vec{f}
 - ▶ Einige f_i undefiniert
 - ▶ Spannt Unterraum von F auf

Nachbarsuche

Idee



- ▶ Starte mit einer vollständigen Lösung
- ▶ Bestimme *Nachbarn* der Lösung
 - ▶ Andere Lösungen *nahe* an existierender
 - ▶ Definition von *Nähe* ist problemspezifisch
- ▶ Wähle *besseren* Nachbarn aus
- ▶ Wiederhole

- ▶ Problem $I = (F, c)$
- ▶ Lösung $\vec{f} \in F$
- ▶ Nachbarschaft $N : F \mapsto 2^F$
(2^F Potenzmenge = Menge aller Teilmengen von F)
- ▶ Nachbar $\vec{g} \in N(\vec{f})$

Beispiel UPP

- ▶ \vec{g} ist Nachbar von $\vec{f} : \Leftrightarrow \vec{g}$ ergibt sich durch Vertauschung von 2 Zellen von \vec{f} .
- ▶ n Zellen, $n - 1$ Tauschpartner $\Rightarrow |N(\vec{f})| = \frac{n(n-1)}{2}$
- ▶ Komplexere *Züge* möglich
z.B. tausche 3 Zellen, tausche Regionen, ...

Nachbarsuche

Kandidatenwahl



TECHNISCHE
UNIVERSITÄT
DARMSTADT

- ▶ Welches $\vec{g} \in N(\vec{f})$ wählen?
- ▶ Ziel: Kostenreduzierung bezüglich c
- ▶ Also wähle \vec{g} mit $c(\vec{g}) < c(\vec{f})$
- ▶ Ende mit \vec{f} falls $\forall \vec{g} \in N(\vec{f}) : c(\vec{g}) \geq c(\vec{f})$

Local_search() : **begin**

Feasible_solution f ;

Set<Feasible_solution> G ;

f := Initial_solution() ;

repeat

 G := {g | g ∈ N(f) ∧ c(g) < c(f)} ;

if G ≠ ∅ **then**

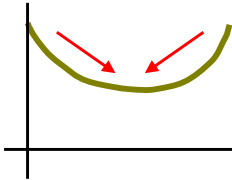
 f := G.pickany()

until G = ∅;

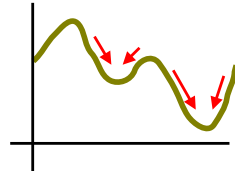
report(f) ;

- ▶ Initialisierung: Initial_solution? Zufällig, triviale Lösung
- ▶ Strategien: pickany? Erste Verbesserung, Steilster Abstieg

- ▶ *Form* der Kostenfunktion:



Gut geeignet



Schlecht geeignet

- ▶ Steckenbleiben in lokalen Minima
- ▶ Mögliche Lösungen:
 - ▶ Mehrere Läufe mit anderen Startlösungen
 - ▶ Größere Nachbarschaft
 - ▶ Adaptiere Größe der Nachbarschaft

Simulated Annealing

Idee



- ▶ Akzeptiere verschlechternde Züge
Aber bessere Strategie als reiner Zufall
- ▶ Simulated Annealing
 - ▶ Simuliertes Erstarren von Metallen
 - ▶ Inspiriert von physikalischen Erstarrungsprozessen
 - ▶ Schnelles Erstarren (*Schockfrosten*)
Hohe innere Spannung = hohe innere Energie
 - ▶ Langsames Abkühlen Niedrige innere Spannung = niedrige innere Energie

Simulated Annealing

Physikalischer Hintergrund



TECHNISCHE
UNIVERSITÄT
DARMSTADT

- ▶ Hohe Anfangstemperatur (flüssiges Material)
- ▶ Moleküle können sich frei anordnen
- ▶ Langsames Abkühlen
- ▶ Bewegungsfreiheit wird schrittweise weiter eingeschränkt
- ▶ Moleküle ordnen sich in Konfiguration niedrigster Energie an
- ▶ Am besten bei sehr langsamer Abkühlung

- ▶ Energie entspricht Kostenfunktion
- ▶ Bewegung der Moleküle entspricht Zügen
- ▶ Temperatur entspricht Kontrollparameter T
 - ▶ Wie frei dürfen sich Moleküle bewegen?
= Welche Züge sind noch akzeptabel?
 - ▶ Niedrigere Energie/Kosten: Immer akzeptiert
 $c(\vec{g}) \leq c(\vec{f})$
 - ▶ Höhere Energie/Kosten:
Akzeptiert mit Wahrscheinlichkeit $e^{-\frac{\Delta c}{T}}$ mit $\Delta c = c(\vec{g}) - c(\vec{f})$

Simulated Annealing

Temperatur

$$e^{\frac{-\Delta c}{T}} = \frac{1}{e^{\frac{\Delta c}{T}}}$$

- ▶ Hohe Temperaturen
Akzeptiere fast alle schlechten Züge
- ▶ Niedrige Temperaturen
Akzeptiere fast keine schlechten Züge mehr
- ▶ Physik: Boltzmann-Verteilung
Statistische Mechanik

Simulated Annealing Algorithmus



```
Simulated_annealing(): begin
```

```
    Feasible_solution f, g, bsf ;
```

```
    float T ;
```

```
    T := Initial_temperature() ;
```

```
    f := Initial_solution() ;
```

```
    bsf := f ;
```

```
    repeat
```

```
        repeat
```

```
            g := N(f).pickany() ;
```

```
            if Accept(f, g) then f := g ;
```

```
        until Thermal_equilibrium(T);
```

```
        T := New_temperature(T) ;
```

```
    until Stop();
```

```
    report(bsf) ;
```

```
int Accept(Feasible_solution f, g):
```

```
    begin
```

```
        float DeltaC ;
```

```
        DeltaC := c(g) - c(f) ;
```

```
        if DeltaC ≤ 0 then
```

```
            if c(g) < c(bsf) then bsf := g ;
```

```
            return (1);
```

```
        else
```

```
            return (exp(-DeltaC/T) >
```

```
                random(1))
```

Simulated Annealing

Zusätzliche Funktionen



`Initial_temperature()`

Bestimmt ausreichend hohe Starttemperatur

`Initial_solution()`

- ▶ Bestimmt Startlösung
- ▶ Zufällige, aber gültige Lösung OK!

`Thermal_equilibrium()`

Gleichgewicht auf einer Temperaturstufe

`New_temperature()`

Bestimmt nächsten Temperaturschritt

`Stop()`

Abbruchkriterium

BSF: *Best so far*

- ▶ Beste bisherige Lösung
- ▶ Letzte Lösung ist nicht immer die beste!

Simulated Annealing

TimberWolf (1985)



- ▶ Standard Cell-Placer
 - ▶ Start mit $T = 4.000.000$
 - ▶ Stop bei $T < 0.1$
 - ▶ Equilibrium abhängig von Problemgröße
 - ▶ 100 Züge pro Zelle bei 200 Zellen
 - ▶ 700 Züge pro Zelle bei 3000 Zellen
 - ▶ Abkühlen
 - ▶ Anfangs mit $T_n = 0.8T$
 - ▶ Im Mittelbereich mit $T_n = 0.95T$
 - ▶ Gegen Ende mit $T_n = 0.8T$
- ⇒ Cooling Schedule



- ▶ Bei geeigneter Cooling Schedule
 - ▶ SA findet immer die optimale Lösung
 - ▶ Praktisch aber nicht relevant (zu langsam)
- ▶ Viele Variationsmöglichkeiten
 - ▶ stop() abhängig von accept()
 - ▶ Adaptive Cooling Schedules
- ▶ Bibliotheken: ASA, EBSA
- ▶ SA ist allgemein verwendbar
- ▶ Aber: Spezialisierte Lösungen sind besser



- ▶ Simulated Annealing
 - ▶ Verschlechternde Züge zu Beginn akzeptiert
- ▶ Tabu-Suche (TS)
 - ▶ Verschlechternde Züge werden **immer** akzeptiert
 - ▶ Gehe immer zu $\vec{g} \in N(\vec{f})$ mit
$$c(\vec{g}) = \min_{\vec{h} \in N(\vec{f})} c(\vec{h})$$
 - ▶ Auch wenn $c(\vec{g}) > c(\vec{f})!$
 - ▶ Problem: Zyklen
 - ▶ Ständige Wiederholung der letzten Züge
- ▶ Lösung: Verbiete letzten k Lösungen
 - ▶ Lösungen sind als *tabu* markiert
 - ▶ Vermeidet Zyklen bis zu der Länge k
 - ▶ Realisierung: FIFO mit Lösungen der Länge k



Tabu_search(): **begin**

```
Feasible_solution f, g, bsf ;  
Set<Feasible_solution> G ;  
FIFO<Feasible_solution,k> Q ;  
f := Initial_solution(); bsf := f; Q :=  $\emptyset$  ;
```

repeat

```
  G := {s | s ∈ N(f) ∧ s ∉ Q} ;  
  if G ≠  $\emptyset$  then  
    g := G.findmin(c) ;  
    Q.shiftin(g) ;  
    f := g ;  
    if c(f) < c(bsf) then bsf := f;
```

```
until (G =  $\emptyset$ ) or Stop();  
report(bsf);
```



- ▶ stop()
Keine Verbesserung in den letzten k Zügen

UPP-Beispiel

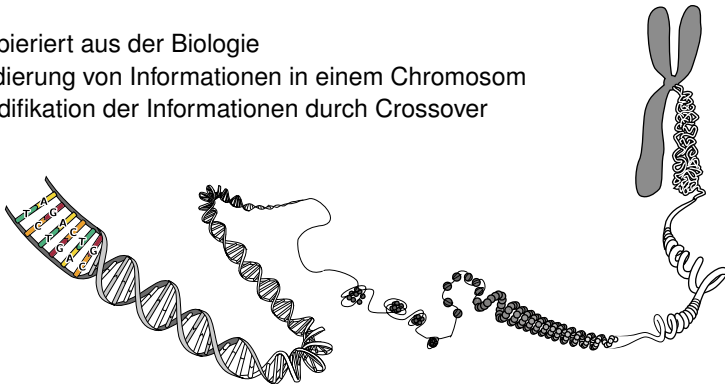
- ▶ 10.000 Zellen Lösung beschreibt 10.000 Koordinatenpaare
- ▶ Sehr große Tabu-Liste
- ▶ Abhilfe: Setze nur einzelne Züge Tabu
- ▶ Aber: Einschränkung des Lösungsraumes

- ▶ Viele Variationsmöglichkeiten
 - ▶ Kein theoretischer Hintergrund Erreichen des Optimums?
 - ▶ Wie stop() oder k wählen?

Genetische Algorithmen

Idee

- ▶ Inspiriert aus der Biologie
- ▶ Kodierung von Informationen in einem Chromosom
- ▶ Modifikation der Informationen durch Crossover



Basiert auf einem Bild der NIH

- ▶ Bisher: Algorithmen arbeiten auf *einer* vollständigen Lösung
- ▶ Nun: Gleichzeitig auf *mehreren* Lösungen
 - ▶ Menge P von Lösungen: Population
 - ▶ Iterationszähler k : Generation
 - ▶ Ersetze $P^{(k)}$ durch $P^{(k+1)}$ während Optimierung
- ▶ Bestimmung von $\vec{f}^{(k+1)} \in P^{(k+1)}$ mittels
 - ▶ Crossover von zwei Eltern $\vec{f}^{(k)}, \vec{g}^{(k)} \in P^{(k)}$
Vererbung von Eigenschaften von $\vec{f}^{(k)}$ und $\vec{g}^{(k)}$
 - ▶ Ggf. Mutation von $\vec{f}^{(k+1)}$

- ▶ Kodierung für Chromosom
Bitfolge für Lösungsvektor

UPP Kodierung

- ▶ 100 Zellen, 10×10 Raster
 - ▶ 4 Bit pro Koordinate
 - ▶ 8 Bit pro Koordinatenpaar
 - ▶ $100 \times 8 \text{ Bit} = 800 \text{ Bit}$ lange Bitfolge als Chromosom
 - ▶ L Länge des Chromosoms in Bit
- ▶ Wichtige Unterscheidung zwischen
Lösung Biologie: Phänotyp
Kodierung der Lösung Biologie: Genotyp
- ▶ Hier im Beispiel äquivalent benutzt

Genetische Algorithmen

Vererbung mit dem Crossover-Operator

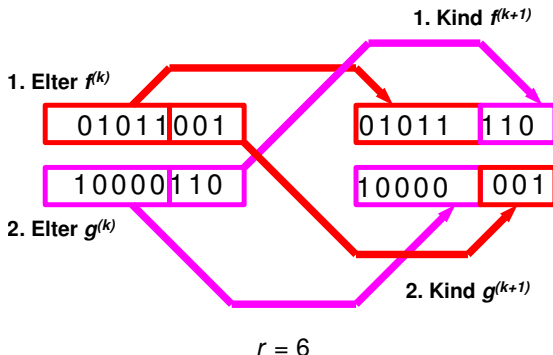


- ▶ Kombiniere die Bitfolgen der Eltern
- ▶ Verschiedene Realisierungen möglich

Beispiel

1. Wähle zufällig Crossover-Position $1 \leq r \leq L$
2. Kopiere Bits $1 \dots (r - 1)$ aus $\vec{f}^{(k)}$ nach $\vec{f}^{(k+1)}$
3. Kopiere Bits $r \dots L$ aus $\vec{g}^{(k)}$ nach $\vec{f}^{(k+1)}$
4. Ggf. erzeuge 2. Kind $\vec{g}^{(k+1)}$ mit vertauschten Rollen

10 × 10 Raster, platziere einzelne Zelle



- ▶ Crossover erzeugt ungültige Lösungen
- ⇒ Abhilfe: Mehr Struktur als einfache Bitfolge

Bei UPP-Beispiel

- ▶ Folgen von 4-bit Koordinaten
- ▶ Nun zwar intern konsistente Koordinaten
- ▶ Reicht im allgemeinen Fall aber nicht aus!
- ⇒ Problemspezifisches Crossover

- ▶ Bisher noch keine Optimierung
Nur neue Lösungen erzeugt
- ▶ Bevorzuge gute Lösungen vor schlechten
 - ▶ Wähle *gute* Eltern aus: Niedrige Kosten
 - ▶ Kombiniere gute Eigenschaften in Nachwuchs
 - ▶ Aber: Auch Gegenteil möglich (Crossoverposition r zufällig)
 - ▶ Vererbung schlechter Eigenschaften
 - ▶ Idee: Schlechte Nachkommen sterben in nächster Generation

Genetic_Algorithm(int popsize) : **begin**

Set<chromosome> pop, newpop ;

Chromosome parent1, parent2, child ;

pop := \emptyset ;

for $i:=1 \dots popsize$ **do** pop := pop \cup {Chromosom einer zufälligen Lösung} ;

repeat

 newpop := \emptyset ;

for $i:=1 \dots popsize$ **do**

 parent1 := pop.select() ; parent2 := pop.select() ;

 child := crossover(parent1, parent2) ;

 newpop := newpop \cup { child } ;

 pop := newpop;

until Stop();

report(pop.findmin(c));



- ▶ Stop()
 - ▶ Keine Verbesserung in den letzten m Iterationen
 - ▶ m problemspezifischer Parameter
- ▶ Mutation
 - ▶ Modelliert in Natur auftretende Fehler beim Kopieren/durch Fremdeinwirkungen
 - ▶ Vermeidet Steckenbleiben in lokalen Minima
- ▶ Sehr viele Variationsmöglichkeiten
 - ▶ Komplexere Crossover (mehrere r, \dots)
 - ▶ Zusätzliche Funktionen: Mutation, Inversion
 - ▶ Mehrere Generationen gleichzeitig
 - ▶ Elite-Selektion
 - ▶ Meta-Genetische Algorithmen
- ...



Stop(): 10.000 Generationen ohne Verbesserung der BSF-Lösung

Initiale Population: Anzahl: Hunderte

25% Zufällig, 75% sequentiell angeordnet

.select(): Zufällig mit Gewichtung auf *fitness* ($< \emptyset$ nie)

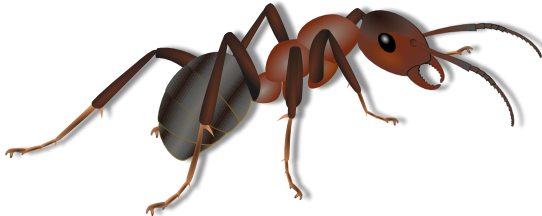
Resultat: Ähnlich gut wie TimberWolf

(Tendenziell bessere Ergebnisse auf Kosten der Laufzeit)

Ameisenalgorithmus

Idee

- ▶ Inspiriert von Ameisenpfaden
 - ▶ Ameisen hinterlassen beim marschieren Pheromone
 - ▶ Kurze Wege akkumulieren stärkere Pheromonkonzentration
- ⇒ werden entsprechend attraktiver für andere Ameisen
- ▶ Agentenbasierter Ansatz: Finden von besten Wegen im Graph



Ameisenalgorithmus

Anwendung

- ▶ Oft benutzt bei *TSP* (Travelling-Salesman-Problem) oder QAP

QAP (Quadratic-Assignment-Problem)

Gegeben:

$f \in F$ Einrichtungen

$l \in L$ Orte

$d(l_1, l_2)$ Distanz zwischen zwei Orten ($d : L \times L \mapsto R$)

$w(f_1, f_2)$ Fluß zwischen zwei Einrichtungen ($w : F \times F \mapsto R$)

Gesucht: Zuordnung $a : F \mapsto L$ bei der $\sum_{f_1, f_2 \in F} w(f_1, f_2) \cdot d(a(f_1), a(f_2))$ minimal wird

- ▶ Lösung wird iterativ in jedem *Agenten* (Ameise) aufgebaut
- ▶ Jede Ameise läuft zufälligen Weg
Wahrscheinlichkeit bei Weg mit vielen Pheromonen höher
- ▶ Nach Konstruktion des Wege, entsprechend der Kosten Pheromongehalt der Wege aller Ameisen aktualisieren

Ameisenalgorithmus

UPP-Beispiel



TECHNISCHE
UNIVERSITÄT
DARMSTADT

- ▶ Zellen \mapsto Einrichtungen
- ▶ Orte \mapsto Positionen im Raster
- ▶ Fluß \mapsto Anzahl der adjazenten Zellen
- ▶ Distanz \mapsto Distanz

Ameisenalgorithmus

Algorithmus

Ant_colony_optimization:

begin

```
Init_heuristics() ;  
repeat  
  forall the Ants i do  
    Ant i.generate_solution()  
  Update_pheromons() ;  
until Stop();
```

Ant.generate_solution():

begin

```
for NumberCells do  
  Select_cell() ;  
  Assign_cell_to_location()  
  Improve_solution() ;  
if solution < bsf then  
  bsf := solution
```

Stop(): Abbruchkriterium: Anzahl Iterationen abhängig von Problemgröße, keine Änderung der BSF, ...

Improve_solution(): Lokale Suche zum verbessern des Ergebnisses

Select_cell(): Zufällig, feste Reihenfolge
(z.B. sortiert nach Summe der inzidenten Flüße)

Ameisenalgorithmus

Initialisierung

- ▶ Heuristische Information

$$\eta_{ij} = \frac{1}{f_i \cdot d_j}$$

f_i *Flußpotential* der Zelle (Anzahl verbundener Zellen)

d_j *Distanzpotential* einer Position

(Summe der Distanzen zu allen anderen Positionen)

- ▶ Setzen sonstiger Parameter:

k Anzahl Ameisen

Q Wert der Pheromonerhöhung (abhängig von Zielfunktion)

$\alpha, \beta > 0$ Gewichtung der Pheromone (α) und heuristischen Information (β)

ρ Persistenz der Pheromone

τ_{ij} Pheromone, Initialisierung mit Wert > 0

Ameisenalgorithmus

Zuweisung Zelle \mapsto Position

Wahrscheinlichkeit das Zelle i Position j zugewiesen wird
(in Iteration t der Ameise k):

$$p_{ij}^k = \frac{\tau_{ij}(t)^\alpha \cdot \eta_{ij}^\beta}{\sum_{l \in N_i^k} \tau_{il}(t)^\alpha \cdot \eta_{il}^\beta}$$

- ▶ N_i^k ist die Nachbarschaft von Knoten i
- ▶ $\sum_{l \in N_i^k} p_{il}(t) = 1$
- ▶ τ_{ij} Pheromonwerte, η_{ij} heuristische Information

$$\tau_{ij}(t+1) = \rho \cdot \tau_{ij}(t) + \sum_{k=1}^m \Delta\tau_{ij}^k$$

Mit

$$\Delta\tau_{ij}^k = \begin{cases} Q/\text{cost}(\text{solution}) & \text{Zelle } i \text{ ist Position } j \text{ zugeordnet} \\ 0 & \text{sonst} \end{cases}$$

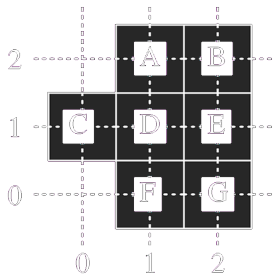
Q Menge der Pheromone einer Ameise

$0 < \rho < 1$ Persistenz der Pheromone ($(1 - \rho)$ Evaporation)
Modelliert verdampfen von Pheromonen (gegen lokale Minima)

- ▶ Schlechte Konvergenz in der Nähe des Optimums, da kaum ein Unterschied im Pheromonlevel
- ▶ Schlechte Skalierung
- ▶ Qualität und Laufzeit vergleichbar mit Simulated Annealing
- ▶ Ähnlich zu SA: Theoretisch optimal
- ▶ Kann dynamisch auf Graphänderungen reagieren
- ▶ Viele Varianten: AS, ANTS, MAX-MIN, FANT, HAS-QAP, ...
Hauptunterschied sind andere ...
 - ▶ heuristische Informationen
 - ▶ Pheromon Updates
 - ▶ Wahrscheinlichkeitsfunktion

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP



n_1 : A, B, F, G

n_2 : B, E

n_3 : D, E

n_4 : A, C, D

n_5 : C, D, F

n_6 : C, E, F, G

n_7 : D, F

n_8 : F, G

$$\vec{f} = \begin{pmatrix} 5 \\ 4 \\ 7 \\ 6 \\ 5 \\ 10 \\ 7 \end{pmatrix}, \vec{d} = \begin{pmatrix} 18 \\ 15 \\ 18 \\ 15 \\ 12 \\ 15 \\ 18 \\ 15 \\ 18 \end{pmatrix}$$

Zellen sortiert nach Flußpotential: F, C, G, D, A, E, B

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Init

$$\eta = \begin{pmatrix} 0.0111 & 0.0139 & 0.0079 & 0.0093 & 0.0111 & 0.0056 & 0.0079 \\ 0.0133 & 0.0167 & 0.0095 & 0.0111 & 0.0133 & 0.0067 & 0.0095 \\ 0.0111 & 0.0139 & 0.0079 & 0.0093 & 0.0111 & 0.0056 & 0.0079 \\ 0.0133 & 0.0167 & 0.0095 & 0.0111 & 0.0133 & 0.0067 & 0.0095 \\ 0.0167 & 0.0208 & 0.0119 & 0.0139 & 0.0167 & 0.0083 & 0.0119 \\ 0.0133 & 0.0167 & 0.0095 & 0.0111 & 0.0133 & 0.0067 & 0.0095 \\ 0.0111 & 0.0139 & 0.0079 & 0.0093 & 0.0111 & 0.0056 & 0.0079 \\ 0.0133 & 0.0167 & 0.0095 & 0.0111 & 0.0133 & 0.0067 & 0.0095 \\ 0.0111 & 0.0139 & 0.0079 & 0.0093 & 0.0111 & 0.0056 & 0.0079 \end{pmatrix}$$

$$Q = 2, \alpha = \beta = 1, \rho = 0.8$$

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Init

$$\tau = \begin{pmatrix} 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \end{pmatrix}$$

$$Q = 2, \alpha = \beta = 1, \rho = 0.8$$

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Auswahl

$$p_{ij} = \frac{\tau_{ij} \cdot \eta_{ij}}{\sum_{l \in N_i^k} \tau_{il} \cdot \eta_{il}}$$

Platziere Zelle F

τ_{Fi}	0.0056	0.0067	0.0056	0.0067	0.0083	0.0067	0.0056	0.0067	0.0056
η_{Fi}	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
$\tau_{Fi} \cdot \eta_{Fi}$	0.00056	0.00067	0.00056	0.00067	0.00083	0.00067	0.00056	0.00067	0.00056

$$\Sigma = 0.00575$$

p_{Fi}	0.0973	0.1165	0.0973	0.1165	0.1443	0.1165	0.0973	0.1165	0.0973
----------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Auswahl

$$p_{ij} = \frac{\tau_{ij} \cdot \eta_{ij}}{\sum_{l \in N_i^k} \tau_{il} \cdot \eta_{il}}$$

Platziere Zelle C

τ_{Fi}	0.0079	0.0095	0.0079	0.0095	0.0079	0.0095	0.0079	0.0095	0.0079
η_{Fi}	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
$\tau_{Fi} \cdot \eta_{Fi}$	0.00079	0.00095	0.00079	0.00095	0.00079	0.00095	0.00079	0.00095	0.00079

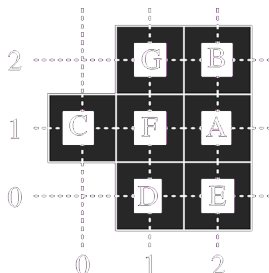
$$\Sigma = 0.00696$$

p_{Fi}	0.1135	0.1365	0.1135	0.1365	0.1135	0.1365	0.1135	0.1365	0.1135
----------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP

- ▶ Analog G, D, A, E, B



- ▶ Kosten (HPWL): 24
- ▶ Nächster Schritt: Pheromone aktualisieren

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Update

$$\tau = \begin{pmatrix} 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \\ 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 & 0.1 \end{pmatrix}$$

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Update

$$\tau = \begin{pmatrix} 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \end{pmatrix}$$

$\rho = 0.8$ Evaporation

Ameisenalgorithmus

Beispiel UPP – Update



$$\tau = \begin{pmatrix} 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.163 \\ 0.08 & 0.163 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.0163 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.163 & 0.08 \\ 0.163 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.163 & 0.08 & 0.08 & 0.08 \\ 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.08 & 0.163 & 0.08 & 0.08 \end{pmatrix}$$

$\frac{2}{24}$ auf genommenen Pfad hinzufügen



- ▶ Timinganalyse
- ▶ UPP
- ▶ Allgemeine Heuristiken
 - ▶ Nachbarsuche
 - ▶ Simulated Annealing
 - ▶ Tabu-Suche
 - ▶ Genetische Algorithmen
 - ▶ Ameisenalgorithmus